

Таблица 2. Все виды, имеющие белки, высоко гомологичные белку NP_249058, некоторые из них являются потенциальными факторами белок-ДНКовой регуляции. Характеристики гомолога и соответствующего сайта связывания: (1) Expect value для ближайшего гомолога белка NP_249058.1 из семейства TetR; (2) Качество сайта: расстояние между консенсусом и найденным сайтом перед указанными видом и геном; (3) Количество найденных сайтов перед указанными видом и геном; обозначение «←» указывает, что сайт перед генами *pro* не найден.

Вид	(1)	(2)	(3)
ген <i>proA</i> (не входящий в оперон)			
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	$4 \cdot 10^{-123}$	7.06	1
<i>P. putida</i>	$2 \cdot 10^{-83}$	8.98; 9.7	2
<i>P. syringae</i>	$2 \cdot 10^{-74}$	7.77	1
<i>P. mendocina</i>	$3 \cdot 10^{-88}$	8.45; 10.64	2
<i>P. entomophila</i>	$1 \cdot 10^{-81}$	6.45; 10.64	2
<i>P. stutzeri</i>	$1 \cdot 10^{-77}$	8.38	1
<i>Marinobacter algicola</i>	$1 \cdot 10^{-51}$	9.28; 9.58	2
<i>M. aquaeolei</i>	$1 \cdot 10^{-52}$	8.98; 10.23	2
<i>Marine γ-proteobacterium</i>	$3 \cdot 10^{-63}$	9.21; 8.53	2
<i>Oceanobacter</i> sp. RED65	$6 \cdot 10^{-63}$	8.19; 11.85	2
<i>Acinetobacter</i> sp. ADP1	$4 \cdot 10^{-46}$	9.96	1
<i>A. radioresistens</i>	$9 \cdot 10^{-48}$	8.6; 6.45	2
<i>Alcanivorax borkumensis</i>	$1 \cdot 10^{-43}$	9.09	1
<i>Congregibacter litoralis</i>	$6 \cdot 10^{-24}$	8.83	1
<i>Oceanospirillum</i> sp. MED92 (<i>Neptuniibacter caesariensis</i>)	$7 \cdot 10^{-4}$	8.11	1
оперон <i>proBA</i>			
<i>Shewanella amazonensis</i>	$2 \cdot 10^{-30}$	8.53	1
<i>S. frigidimarina</i>	$7 \cdot 10^{-33}$	7.77; 8.11	2
<i>S. oneidensis</i>	$8 \cdot 10^{-32}$	6.04; 5.32	2
<i>S.</i> sp. MR-4	$1 \cdot 10^{-31}$	6.04; 5.32	2
<i>S.</i> sp. MR-7	$3 \cdot 10^{-33}$	6.98; 5.32	2
<i>S.</i> sp. ANA-3	$3 \cdot 10^{-31}$	6.04; 5.32	2
<i>S. loihica</i> PV-4	$1 \cdot 10^{-29}$	5.74	1
<i>S. baltica</i>	$2 \cdot 10^{-30}$	5.32	1
<i>S. putrefaciens</i>	$2 \cdot 10^{-29}$	5.32	1
<i>S. benthica</i>	$9 \cdot 10^{-32}$	5.74	1
<i>S. sediminis</i>	$2 \cdot 10^{-32}$	5.32	1
<i>S. woodyi</i>	$6 \cdot 10^{-33}$	5.74	1
<i>S. piezotolerans</i>	$2 \cdot 10^{-32}$	5.32	1
<i>S. pealeana</i>	$2 \cdot 10^{-32}$	5.32	1
<i>S. halifaxensis</i>	$3 \cdot 10^{-32}$	5.74	1
<i>Aeromonas hydrophila</i>	$1 \cdot 10^{-30}$	9.09	1
<i>A. salmonicida</i>	$2 \cdot 10^{-30}$	9.09	1
<i>Vibrionales bacterium</i>	$9 \cdot 10^{-31}$	7.7; 10.26	2
<i>Pseudoalteromonas tunicata</i>	$7 \cdot 10^{-31}$	8; 8.49	2
<i>P. Haloplanktis</i>	$3 \cdot 10^{-28}$	10.19; 9.81	2
<i>Alteromonas macleodii</i>	$8 \cdot 10^{-13}$	9.28	1
Гены <i>pro</i>, сайт не найден			
<i>Pseudomonas fluorescens</i>	$1 \cdot 10^{-87}$		–

<i>Hahella chejuensis</i>	$1 \cdot 10^{-51}$		–
<i>Acinetobacter baumannii</i>	$2 \cdot 10^{-46}$		–
<i>Marinobacter</i> sp. ELB17	$8 \cdot 10^{-46}$		–
<i>Marinobacter</i> sp. ELB17	$9 \cdot 10^{-28}$		–
<i>Acinetobacter</i> sp. ATCC 27244	$2 \cdot 10^{-45}$		–
<i>Marinomonas</i> sp. MED121	$9 \cdot 10^{-45}$		–
<i>Vibrio cholerae</i>	$1 \cdot 10^{-31}$		–
<i>V. vulnificus</i>	$2 \cdot 10^{-31}$		–
<i>V. parahaemolyticus</i>	$7 \cdot 10^{-31}$		–
<i>V. sp.</i> MED222	$2 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. campbellii</i>	$3 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. splendidus</i>	$3 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. alginolyticus</i>	$3 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. shilonii</i>	$3 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. harveyi</i>	$7 \cdot 10^{-30}$		–
<i>V. fischeri</i>	$2 \cdot 10^{-29}$		–
<i>V. salmonicida</i>	$4 \cdot 10^{-29}$		–
<i>V. angustum</i>	$5 \cdot 10^{-28}$		–
<i>Moritella</i> sp. PE36	$2 \cdot 10^{-31}$		–
<i>Photobacterium</i> sp. SKA34	$2 \cdot 10^{-27}$		–
<i>Shewanella denitrificans</i>	$2 \cdot 10^{-27}$		–
<i>Alteromonadales bacterium</i> TW-7	$2 \cdot 10^{-26}$		–
<i>Photobacterium profundum</i>	$3 \cdot 10^{-26}$		–
<i>Reinekea</i> sp. MED297	$6 \cdot 10^{-26}$		–
<i>Hahella chejuensis</i>	$4 \cdot 10^{-25}$		–